



Sopot, dnia 7 listopada 2013 r.

Wyjaśnienia SIWZ

dot. zamówienia publicznego na usługę przeprowadzenia genotypowania polimorfizmów pojedynczego nukleotydu (SNP) 3780 prób DNA wyizolowanego z tkanek omułek Mytilus dla Instytutu Oceanologii PAN, ul. Powstańców Warszawy 55, 81-712 Sopot (nr postępowania IO/ZP/19/2013)

Szanowni Państwo,

Działając na podstawie art. 38 ust 1 ustawy Prawo zamówień publicznych Zamawiający informuje, że udziela wyjaśnień w odpowiedzi na następujące pytania, które wpłynęły do Zamawiającego w dniu 05.11.2013r.:

Pytanie nr 1

„Czy Zamawiający dostarczy wykonawcy listę SNP, które mają zostać genotypowane w ramach zlecenia? Jeśli nie to czy SNP mają zostać wybrane przez Wykonawcę i jakie byłyby kryteria Zamawiającego w takim wypadku?”

Odpowiedź

Zamawiający informuje, że zgodnie z rozdziałem I ust. 4 SIWZ „Zamawiający wymaga, aby dwa multipleksy zawierały ok. 80 SNP, w tym co najmniej 70 SNP przydatnych do analizy populacyjnej, z wybranych przez Zamawiającego rejonów genomu”. Zamawiający dostarczy Wykonawcy sekwencje EST wybranych części genomu omułka Mytilus z zaznaczonymi SNP. Wykonawca skonstruuje startery, przeprowadzi ich testowanie na 90 próbkach dostarczonych przez Zamawiającego i skonstruuje multipleksy.

Pytanie nr 2

Firma Sequenom oferuje możliwość multipleksowania w technice MassArray w ilości do 36 SNP w jednym multipleksie. Jak zatem rozumieć sformułowanie Zamawiającego - ok. 80 SNP w dwóch multipleksach?

Odpowiedź

Zamawiający wyjaśnia, iż sformułowanie „ok. 80 SNP w dwóch multipleksach” należy rozumieć jako nie mniej niż 78 SNP. Zamawiający nie zgadza się z poglądem Wykonawcy jakoby multipleksowanie w technice MassArray możliwe było jedynie w ilości do 36 SNP w jednym multipleksie. Urządzenia wyposażone w najnowszą technikę umożliwiają przeprowadzenie multipleksowania w ilości nawet do 40 SNP w jednym multipleksie.

Pytanie nr 3

Biorąc pod uwagę fakt, że nie dla wszystkich SNP w ramach multipleksu udaje się uzyskać wynik w technice MassArray jakie są oczekiwania wykonawcy odnośnie dopuszczalnej ilości nieudanych indywidualnych SNP: czy chodzi o minimum 70 SNP?

Odpowiedź

Zamawiający wyjaśnia, iż Zgodnie ww. punktem SIWZ, w ogóle nie dopuszcza przeprowadzenia genotypowania z użyciem tzw. „nieudanych” SNP. Zamawiający dopuszcza jedynie skonstruowanie 2 multipleksów zawierających razem ok. 80 SNP (nie mniej niż 78 SNP). Jednocześnie Zamawiający wyjaśnia, że co najmniej 70 SNP musi być przydatnych do analizy w zakresie genetyki populacyjnej omułek, czyli musi być polimorficznymi genotypami. Liczba 70 SNP nie obejmuje zatem „nieudanych” SNP. W celu ewentualnego ograniczenia ryzyka niepowodzenia analiz, Wykonawca może użyć do testowania skonstruowanych multipleksów większej liczby osobników niż wymagane 90.

NACZELNY KĘTYMER

[Signature]